CDX2、RKIP、IncRNA BC200 与慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的预测价值

秦清军, 王海军, 刘 娜

社旗县人民医院消化内科 河南南阳

【摘要】目的 分析尾侧型同源转录因子-2(CDX2)、Raf 激酶抑制蛋白(RKIP)、IncRNA BC200 与慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的预测价值。方法 选取 2020 年 11 月-2021 年 11 月期间在我院进行治疗的慢性萎缩性胃炎 142 例进行前瞻性预测价值研究,同时选取在我院进行治疗的胃癌患者 88 例,进行 Westernbiot 法对检测 IncRNA BC200 的表达。结果 胃癌组患者 CDX2、IncRNA BC200 表达高于萎缩组、非萎缩组,RKIP 表达低于萎缩组、非萎缩组;萎缩组患者 CDX2、IncRNA BC200 表达高于非萎缩组,RKIP 表达低于非萎缩组;非萎缩组;再有统计学差异(P<0.05)。ROC 曲线显示,与 CDX2、RKIP、IncRNA BC200 单项预测相比,三项联合对慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的预测价值较高(P<0.05)。结论 检测 CDX2、RKIP、IncRNA BC200 与慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的风险具有一定预测价值,以早期制定相关措施干预,提高治疗效率。

【关键词】慢性萎缩性胃炎;胃癌;淋巴结转移;分化程度;病理特征 【收稿日期】2022年10月20日 【出刊日期】2022年12月13日 【DOI】10.12208/j.ijmd.20220314

The relationship between CDX2, RKIP, lncRNA BC200 and chronic atrophic gastritis and its predictive value for secondary gastric cancer

Qingjun Qin, Haijun Wang, Na Liu

Department of Gastroenterology, People's Hospital of Sheqi County, Henan nanyang

[Abstract] Objective: To analyze the relationship between caudal homologous transcription factor-2 (CDX2), Raf kinase inhibitor protein (RKIP), lncRNA BC200 and chronic atrophic gastritis (CAG) and their predictive value for secondary gastric cancer. Methods: 142 patients with chronic atrophic gastritis who were treated in our hospital from November 2020 to November 2021 were selected for a prospective predictive value study. At the same time, 88 patients with gastric cancer who were treated in our hospital were selected for Western biot method to detect the expression of lncRNA BC200. Results: The expression of CDX2 and lncRNA BC200 in gastric cancer group was higher than that in atrophic group and non atrophic group, while the expression of RKIP was lower than that in atrophic group and non atrophic group; The expression of CDX2 and lncRNA BC200 in atrophic group; Was higher than that in non atrophic group, and the expression of RKIP was lower than that in non atrophic group; There was statistical difference (P<0.05). ROC curve showed that compared with single prediction of CDX2, RKIP and lncRNA BC200, the three combinations had higher predictive value for chronic atrophic gastritis and secondary gastric cancer (P<0.05). Conclusion: The detection of the relationship between CDX2, RKIP, lncRNA BC200 and chronic atrophic gastritis and the risk of secondary gastric cancer has a certain predictive value, in order to develop early intervention measures to improve the treatment efficiency.

Keywords Chronic atrophic gastritis; Gastric cancer; Lymph node metastasis; Degree of differentiation; The pathological features of

胃癌是最为常见的消化内系统恶性肿瘤,临床初期的发病表现通常无明显症状,早期的诊断率较低,确诊发现时病情已经到中晚期,临床上治疗难度增大,对患者的日常生活和工作造成严重的影响,严重者甚至危及生命,因此需要做到提前预防、早期诊断具有重要意义[1]。有研究结果表明,慢性萎缩性胃炎是导致胃癌前的病变,导致疾病程度加重最终发展为胃癌,前期早诊断、早治疗、早预防是控制胃癌死亡率的重要因素,本文中分析 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 在慢性萎缩性胃炎中的表达情况及对胃癌行 CRRT 治疗疗效的预测价值,以期望改善胃癌预后,降低死亡率。现报道如下。

1 对象与方法

1.1 一般资料

选取 2020 年 11 月-2021 年 11 月期间在我院进行治疗的慢性萎缩性胃炎的 142 例进行前瞻性价值研究。其中非慢性萎缩性胃炎患者 66 例,包括男性 36 例,女性 30 例,年龄 30~64 岁,平均年龄(42.2±15.8)岁;萎缩性胃炎患者 76 例,包括男性 33 例,女性 43 例,年龄 32~65 岁,平均年龄(45.2±16.8)岁。同时选取在我院进行治疗的胃癌患者 88 例,包括男性 45 例,女性 43 例,年龄 45~75岁,平均年龄(52.2±11.8)岁。两组患者在一般资料方面对比无明显差异,P>0.05。

1.2 具体方法

RKIP表达检测 抽取3组患者清晨空腹静脉血,分离出外周血单个核细胞,使用实时荧光定量 PCR 法测定 RKIP 表达量。

采用免疫组化染色 SP 法检查 CDX2 表达 采用 Westernbiot 法检查 lncRNA BC200 表达 1.3 统计学方法

两组患者入院后将各类资料利用 SPSS22.0 软

件进行统计,通过 t 来检验计量资料,($\chi \pm s$)为其表达方式,利用百分比(%)来表示计数资料,通过 χ^2 进行检验,P < 0.05 是统计学意义成立的依据。

2 结果

2.13 组患者 CDX2、RKIP、IncRNA BC200 表 达比较

如表 1 所示,胃癌组患者 CDX2、lncRNA BC200 表达高于萎缩组、非萎缩组,RKIP 表达低于萎缩组、非萎缩组;萎缩组患者 CDX2、lncRNA BC200 表达高于非萎缩组,RKIP 表达低于非萎缩组,具有统计学差异(P<0.05)。

表 1 3 组患者 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 表达比较($\bar{x} \pm s$)

| 组别 | 例数(n) | CDX2 | CDX2 RKIP | |
|------|-------|-----------|-----------|-----------|
| 非萎缩组 | 66 | 0.34±0.04 | 1.01±0.21 | 0.56±0.12 |
| 萎缩组 | 76 | 0.47±0.11 | 0.59±0.11 | 0.75±0.13 |
| 胃癌组 | 88 | 1.12±0.32 | 0.21±0.03 | 1.11±0.21 |

2.2 有无淋巴结转移 CDX2、RKIP、IncRNA BC200 表达比较

淋巴结转移者 CDX2、 $\ln RNA$ BC200 表达得分分别为(1.21±0.35)、(1.22±0.24),无淋巴结转移者得分分别为(0.65±0.12)、(0.96±0.17),淋巴转移者得分明显更高,淋巴结转移者 RKIP 表达为(0.18±0.04),无淋巴结转移为(0.45±0.15),淋巴结转移者 RKIP 明显更高,具有统计学差异(P<0.05)。

2.3 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 对继发胃癌的预测价值分析

与 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 单项预测相比,三项联合对慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的预测价值较高(P<0.05)。见表 2。

表 2 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 对继发胃癌的预测价值分析

| | AUC | 95%CI | P 值 | 敏感度(%) | 特异度(%) |
|--------------|-------|---------------|---------|--------|--------|
| CDX2 | 0.778 | 0.6148-0.9407 | 0.010 | 85.00 | 77.89 |
| RKIP | 0.858 | 0.7290-0.9866 | 0.001 | 86.90 | 76.20 |
| lncRNA BC200 | 0.816 | 0.6670-0.9641 | 0.003 | 88.75 | 75.41 |
| 三项联合 | 0.960 | 0.9004-1.000 | < 0.001 | 90.91 | 84.62 |

3 讨论

临床发现,胃癌症状发病机制 CDX2 在肠道呈现特异性表达,其基因突变、尾侧型同源转录因子水平下降以及异位均会成为促进癌前肿瘤病变主要原因,RKIP 位于人体 12 号染色体 q24.22^[2]。由此可见,RKIP 可以促进肿瘤的主要发展,RKIP 在胃癌当中呈现较低表现,可通过 Raf 激酶抑制蛋白进而调节促进胃癌细胞的增殖凋亡等细胞活动,RKIP 表达低于低分化。lncRNA BC200 对慢性萎缩性胃炎其表达变化与肿瘤细胞的侵袭、增殖能力密切相关[3],lncRNA BC200 在淋巴癌、恶性肿瘤中呈现异常表达,其基因转变的表达变化与上皮间质转化具有一定相关性意义,但是关于 lncRNA BC200 表达与继发胃癌的发展相关性研究还相对较少,lncRNA BC200 作为继发胃癌的诊断、改善预后结局^[4-5]。

本研究显示,胃癌组患者 CDX2、lncRNA BC200 表达高于萎缩组、非萎缩组,RKIP 表达低于萎缩组、非萎缩组;萎缩组患者 CDX2、lncRNA BC200 表达高于非萎缩组,RKIP 表达低于非萎缩组;具有统计学差异(P<0.05)。ROC 曲线显示,与 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 单项预测相比,三项联合对慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的预测价值较高(P<0.05)。说明联合监测 CDX2、RKIP、lncRNA BC200表达对预测继发胃癌的发生有较好临床价值,对及时干预治疗和改善预后有益。

综上可知, CDX2、RKIP、lncRNA BC200 在慢性萎缩性胃炎不同严重程度萎缩表达出现异常,且

与胃癌患者病理特征有关,检测 CDX2、RKIP、lncRNA BC200 与慢性萎缩性胃炎的关系及对继发胃癌的风险具有一定预测价值,以早期制定相关措施干预,提高治疗效率。

参考文献

- [1] 贾岑岑,程薇,李雷蕾,等. CD133+与 CD133-人原代胃癌细胞的差异表达基因及核心基因的筛选[J]. 贵州医科大学学报,2022,47(2):125-132,162.
- [2] 礼想,杨博文,宫丽宝,等. 基于共表达网络分析的I期胃癌 预后基因筛选[J]. 中国医科大学学报,2021,50(1):1-8.
- [3] 丛雨欣,张秋菊,田伟,等. 基于 lncRNA-mRNA 共表达网络 筛选胃癌分期相关的 lncRNA[J]. 中国卫生统计,2021,38 (5):665-669.
- [4] 李晓峰,张文瑛,梁铁生. 老年痴呆症患者外周血中 LncRN A-BC200 和 LncRNA-17 A 水平及应用价值[J]. 中风与神经疾病杂志,2019,36(9):790-793.
- [5] 海宇修,苏勤. ANXA2 和 CDX2 参与胃癌多耐药性的发生[J]. 基因组学与应用生物学,2018,37(5):2266-2271.

版权声明: ©2022 作者与开放获取期刊研究中心(OAJRC)所有。本文章按照知识共享署名许可条款发表。

https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/

